TGF- β II 受体和磷酸化 Smad2 蛋白

在食管癌中的表达及意义

何欣蓉¹ 蔡燕² 付茂勇³ (川北医学院附属医院; 1 病理科;
2 风湿免疫研究所; 3 胸外科 四川 南充 637000)

【摘要】 目的 探讨转化生长因子 β -II 型受体 (T β R II) 和磷酸化 Smad2 (P-Smad2) 蛋白在食管癌发生和发展中的作用。方法 应用 Western blot 技术对 38 例手术切除的食管癌标本和 12 例癌旁组织中的 T β R II、P-Smad2 的表达进行检测。结果 食管癌中 T β R II、P-Smad2 的表达明显低于癌旁组织, 具有显著性差异 ($P < 0.05$); 但 T β R II、P-Smad2 的表达在不同临床病理特征 (年龄、性别构成比、组织分化程度、有无淋巴结转移) 中差异均无统计学意义 ($P > 0.05$)。结论 食管癌组织中存在 T β R II 和 Smad2 的蛋白表达异常, 可能与食管癌的发病有关。

【关键词】 T β R II P-Smad2 食管癌 Western blot

The expression and significance of T β R II and P-Smad2 in esophageal neoplasms. HE Xin-rong¹, CAI Yan², FU Mao-yong³. 1 Department of Pathology; 2 Rheumatoid immune research institute; 3 Hepatobiliary Surgery Affiliated Hospital of North Sichuan Medical College, Nanchong Sichuan 637000, China.

【Abstract】 **Objective** To investigate the expression of T β R II and its downstream P-Smad2 in esophageal neoplasms. **Methods** Western blot technique was used to detect the expression level of T β R II and P-Smad2 in 38 cases of esophageal neoplasms specimens and 12 cases of paracancerous esophageal tissue. **Results** In all the 38 cases of esophageal neoplasms specimens, both T β R II and P-Smad2 expressions were decreased. There were significant differences in T β R II and P-Smad2 expressions between esophageal neoplasms and paracancerous esophageal tissue ($P < 0.05$). No obvious correlation was found between expression of the two proteins and age, sex, histological differentiation or lymph node metastasis ($P > 0.05$). **Conclusion** The results suggest that the levels of T β R II and P-Smad2 may play important role in the progression of esophageal neoplasms.

【Key words】 T β R II; P-Smad2; Esophageal neoplasms; Western blot

食管癌是发生在食管上皮组织的恶性肿瘤, 占所有恶性肿瘤的 2%。全世界每年约有 20 万人死于食管癌。四川省川北地区为食管癌高发区之一。食管癌病因和发病机制尚未完全阐明, 但信号转导在其中的作用越来越受到重视。转化生长因子 β (TGF- β) 为具有多功能的细胞因子, 对多种细胞具有抑制增殖及诱导凋亡作用。目前已基本清楚的是 TGF- β 激活 Smads 的信号转导通路: TGF- β 活化后, 先与 TGF- β II 型受体 (transforming growth factor-beta type II receptor, T β R II) 二聚体结合, 形成复合物, T β R II 自磷酸化, 进而磷酸化 TGF- β I 型受体 (T β R I) 的 GS 结构域, 使之激活而具有激酶活性, 活化的 T β R-I 磷酸化下游 Smads (2 和 3) 分子的丝 (苏) 氨基酸残基, 使 Smad2、Smad3 活化并同 Smad4 形成异源复合物, 转位到核, 调节靶基因的转录应答^[1], 从而抑制细胞生长, 诱导其凋亡。目前很多研究表明: TGF- β /Smad 通路的异常可引起信号传导的紊乱, 从而导致肿瘤的发生。本研究选取 38 例手术切除的食管癌标本和 12 例癌旁组织, 应用 Western blot 技术, 对 TGF- β /Smad 通路中的 T β R II、磷酸化 Smad2 (P-Smad2) 的表达进行检测, 结合临床病理资料, 探讨食管癌发生发展中 TGF- β /Smad 通路的改变。

1 材料与方

1.1 材料

1.1.1 病例 选取 2005 年川北医学院附属医院食管癌根治术标本 38 例为实验组。全部病例均经病理诊断

证实。标本切成 2~3 mm³ 大小, 液氮中速冻, 存于 -80℃。其中男性 24 例, 女性 14 例。年龄为 41~72 岁, 平均 58.2 岁。组织学分类: 鳞癌 36 例, 其中高分化鳞癌 12 例, 中分化鳞癌 18 例, 低分化鳞癌 6 例; 腺癌 2 例。有淋巴结转移 16 例, 无转移 22 例。同时收集癌旁组织 12 例作为对照组。

1.1.2 试剂 实验中所用兔抗 P-Smad2 多克隆抗体和兔抗 T β R II 多克隆抗体购自 Santa cruz 公司, 使用浓度为 1:100。二抗及兔抗 β -actin 多克隆抗体购自中山生物技术有限公司。ECL 显色试剂盒购自 Pierce 公司。

1.2 方法

1.2.1 Western blot 分析 组织先用匀浆器碾碎后, 用 RIPA 裂解液提取组织蛋白质, 用 BCA 蛋白定量试剂盒测浓度。各取 100 μ g, 10% 聚丙烯酰胺凝胶电泳后转膜, 用第二抗体偶联物进行免疫检测, 发光底物显迹法进行显迹, 经显影, 定影后分析杂交信号, 并以同一张膜上重复杂交 β -actin 作为对照, 用 Quantity one 凝胶分析软件分析结果。

1.2.2 食管癌中 T β R II、P-Smad2 表达差异比较 采用单因素方差分析比较不同年龄 (每 10 年 1 组) 及组织学分化类型 (按高分化、中分化、低分化 3 组) 之间的食管癌中 T β R II、P-Smad2 的表达差异, 比较食管癌中 T β R II、P-Smad2 与性别、淋巴结转移的关系。

1.3 统计学处理 应用 SPSS 16.0 软件包, 计数资料采用卡方检验; 计量资料采用 t 检验分析, 所得数据以

基金项目: 四川省卫生厅科研项目 (编号: 080096)

均数 ± 标准差 ($\bar{x} \pm s$) 表示,以 $P < 0.05$ 认为差异有统计学意义。

2 结果

2.1 食管癌中 TβR II、P-Smad2 的表达 用 Quantity one 做光密度分析,用 TβR II、P-Smad2 分别与内参 α-actin 的平均光密度比值 ($\bar{x} \pm s$) 来表示 TβR II、P-Smad2 的相对浓度。结果表明对照组 TβR II、P-Smad2 蛋白的表达均明显弱于实验组(图 1)。TβR II 在食管癌组织平均灰度值明显低于癌旁食管组织平均灰度值, P-Smad2 在食管癌组织平均灰度值也明显低于癌旁食管组织平均灰度值。这两种蛋白在食管癌和癌旁组织中的表达差异均有统计学意义 ($P < 0.05$) (表 1)。

图 1 Western blot 检测食管癌和癌旁组织中 TβR II、P-Smad2 的表达
Ca: 食管癌组织; N: 食管癌旁组织

表 1 人食管癌及癌旁组织中 TβR II、P-Smad2 的平均灰度分析

检测指标	癌旁食管组织 平均灰度值	食管癌组织 平均灰度值	t 值	P 值
TβR II	1.610 ± 0.730	0.990 ± 0.340	4.600	<0.05
P-Smad2	1.712 ± 0.706	0.993 ± 0.339	4.773	<0.05

2.2 TβR II、P-Smad2 的表达与食管癌病理特征的相关性 采用单因素方差分析比较不同年龄(每 10 年 1 组)及组织学分化类型(按高分化、中分化、低分化 3 组)之间的 TβR II、P-Smad2 的表达差异,结果显示两种蛋白表达在不同年龄、不同组织分化中均无明显差异 ($P > 0.05$) (表 2)。采用 t 检验分别比较发病不同性别和有无淋巴结转移之间的 TβR II、P-Smad2 的表达差异,结果两种蛋白在不同性别中无显著差异 ($P > 0.05$); P-Smad2 蛋白、TβR II 蛋白分别在有淋巴结转移和无淋巴结转移间比较无明显差异 ($P > 0.05$)。详见见表 2~3。

3 讨论

TβR II、P-Smad2 都是 TGF-β 超家族信号传导的成员,为 TGF-β/Smad 通路的必要因素之一。目前研究表明:在多种肿瘤中,如子宫内膜癌、结肠癌、胃癌、前列腺癌和肝癌等,均发现存在 TβR II、Smad2 的突变或表达下调^[2-6]。我们选取 2005 年川北医学院附属医院

表 2 食管癌中 TβR II、P-Smad2 与年龄、组织分化的关系

临床病理特征	例数	TβR II			P-Smad2		
		食管癌组织平均灰度值	F 值	P 值	食管癌组织平均灰度值	F 值	P 值
年龄(岁)							
40~49	4	0.774 ± 0.239	1.212	0.320	0.920 ± 0.268	0.832	0.486
50~59	15	0.969 ± 0.315			0.990 ± 0.317		
60~69	15	1.093 ± 0.369			1.078 ± 0.369		
70~79	4	1.127 ± 0.214			0.983 ± 0.231		
组织分化							
高分化组	12	1.003 ± 0.346	0.120	0.887	0.940 ± 0.327	0.549	0.583
中分化组	18	1.017 ± 0.328			1.022 ± 0.383		
低分化组	6	0.948 ± 0.189			1.017 ± 0.194		

表 3 食管癌中 TβR II、P-Smad2 与性别、淋巴结转移的关系

临床病理特征	TβR II			P-Smad2		
	食管癌组织平均灰度值	t 值	P 值	食管癌组织平均灰度值	t 值	P 值
性别						
男性	0.979 ± 0.196	-1.984	0.055	0.997 ± 0.332	0.832	0.486
女性	1.010 ± 0.149			0.989 ± 0.345		
淋巴结转移						
有	0.929 ± 0.231	1.299	0.202	0.919 ± 0.248	1.701	0.098
无	1.048 ± 0.379			1.066 ± 0.381		

例食管癌根治术标本 38 例为实验组,另选取 12 例癌旁组织为对照组,采用 Western blot 技术检测食管癌和癌旁组织中 TβR II、P-Smad2 的表达,结果显示 TβR II、P-Smad2 的表达均较癌旁组织下降,两者差异具有统计学意义 ($P < 0.05$)。

Fukai 等^[7] 研究人食管鳞状细胞癌时发现,癌灶中

TβR I、II 表达下降与肌层浸润深度、淋巴结转移及临床分期有关。王柏春等^[8] 采用免疫组化方法测的 TβR II 在食管癌中低表达,且低表达与食管癌的不良分化呈正相关。但本文将 P-Smad2、TβR II 的表达结合临床病理资料分析,发现癌组织中 TβR II、P-Smad2 的表达水平都与发病年龄、性别构成比、组织分化程度、淋巴结

转移无明显相关性($P > 0.05$)。

由此可见, TGF- β /Smad 信号转导通路的改变与食管癌的发生发展有密切关系。T β R II、P-Smad2 的表达降低, 使得瘤细胞逃避 TGF- β 的生长抑制作用, 从而发生细胞增殖。因此, 如果能通过多种方式使瘤细胞恢复对 TGF- β 的生长抑制的反应, 将有可能对肿瘤治疗提供新的方法。此外, 食管癌中 TGF- β /Smad 信号通路中其他信号的转导因子, 如 Smad4、Smad7 等, 在食管癌发生、演进中的作用仍需进一步的探讨。

参考文献

[1] Derynck R, Zhang YE. Smad-dependent and Smad-independent pathways in TGF- β family signalling [J]. Nature, 2003, 425 (6958): 577-584.
 [2] 刘贵鹏, 王东娇, 李莹莹, 等. Smad 2/3 和 Smad 4 在子宫内腺癌中的表达及其相关性[J]. 中国医科大学学报, 2010, 60(7): 546-576.

[3] Munoz NM, Upton M, Rojas A, et al. Transforming growth factor beta receptor type II inactivation induces the malignant transformation of intestinal neoplasms initiated by Apc mutation [J]. Cancer Res, 2006, 66 (20): 9837-9844.
 [4] 沈迎春, 刘华. 转化生长因子受体 I、II 和 Smad4 在胃癌中的表达及其临床意义[J]. 同济大学学报(医学版), 2008, 29(3): 79-83.
 [5] Zhao H, Shiina H, Greene KL, et al. CpG methylation at promoter site -140 inactivates TGF β 2 receptor gene in prostate cancer [J]. Cancer, 2005, 104(1): 44-52.
 [6] 程朋, 曾维政, 张汝, 等. TGF- β 1 与 Smad2 基因在肝细胞肝癌中的表达及意义[J]. 临床肿瘤学杂志, 2009, 14(11): 980-983.
 [7] Fukai Y, Fukuchi M, Masuda N, et al. Reduced expression of transforming growth factor- β receptors is an unfavorable prognostic factor in human esophageal squamous cell carcinoma [J]. Int J Cancer, 2003, 104(2): 161-166.
 [8] 王柏春, 王胜发, 毕宏远, 等. 人食管癌中 TGF- β 受体 I 和 II 表达的临床分析[J]. 基础医学与临床, 2007, 27(7): 822-823.

(收稿日期: 2011-07-22)

(上接第 3 页)

增加, 心输出量降低, 血压升高。有研究证实高血压患者血浆和脑脊液^[7]中 U II 浓度与血压正相关, 并且 U II 基因单核苷酸多态性与原发性高血压发展有关。本研究也发现 SHR 组无论心肌组织还是胸主动脉 GPR14 表达水平均显著高于其对照 WKY 组大鼠, 这可能导致高血压组大鼠对 U II 敏感性增加, 从而使血管紧张性收缩增强, 参与高血压的发生发展。

近来随着人们对 RNA 干扰现象和机制认识的进展, 越来越多的研究者利用这种技术作为基因治疗的一种手段。有不少 RNA 干扰治疗研究是针对肿瘤和单基因缺陷性遗传病等, 在高血压等心血管疾病方面, 也有研究者应用腺病毒为载体靶向 AT1R 基因的 RNA 干扰技术来治疗高血压小鼠^[8-9], 但尚未有靶向 GPR14 的 RNA 干扰治疗高血压的文献报道。本研究发现, 与注射前相比, WKY 大鼠和 SHR 尾静脉注射靶向 U II 受体 GPR14 进行 RNA 干扰的重组腺病毒, 无论在 WKY 大鼠还是 SHR 组注射后 1 周即开始降低心肌组织和胸主动脉的 GPR14 蛋白表达, 该效应在注射后 4 周仍存在, 注射后 2 周时降低最明显。并且无创尾动脉压测定结果也表明 SBP 时程变化情况与 GPR14 受体表达变化情况一致, 并且 SBP 降低幅度在 SHR 组较 WKY 组更明显。这些结果表明, 尾静脉注射携带 GPR14 基因的重组腺病毒能够显著下调 GPR14, 可持续至少 4 周。一次注射靶向 GPR14 进行 RNA 干扰的重组腺病毒能长期降低血压, 并且 SHR 组对 GPR14 下调的影响更敏感。

心血管重构是高血压时的显著病理改变, 主要表现为心肌细胞肥大、间质纤维化和血管中膜增厚等。本研究结果也表明 SHR 注射裸病毒对照组左心重/体质量、心肌细胞横截面积、胸主动脉及肠系膜上动脉中膜厚度和中膜厚/管腔内径均显著高于 WKY 注射 Ad 对照组, 表明 SHR 确有心血管重构发生。尾静脉注射 Ad -

GPR14-shRNA 后 2 周时 GPR14 蛋白水平和血压下降最明显, 因此选择注射后 2 周取材观察心血管病理学改变, 结果发现与 SHR-Ad-GPR14-shRNA 组左心重/体质量、心肌细胞横截面积、胸主动脉及肠系膜上动脉中膜厚度和中膜厚/管腔内径均显著低于 SHR-Ad 对照组, 这表明治疗显著改善了 SHR 心血管重构情况。

综上所述, 以腺病毒为载体 RNA 干扰技术能有效发挥基因沉默效应, 长期靶向 GPR14 的 RNA 干扰下调了心肌和主动脉 GPR14 蛋白水平, 由此发挥显著降低高血压大鼠血压和心血管保护效应。较传统药物治疗有明显优势, 以 GPR14 为靶点的 RNA 干扰有望成为新的抗高血压策略。

参考文献

[1] Albertin G, Guidolin D, Sorato E, et al. Urotensin-II-stimulated expression of pro-angiogenic factors in human vascular endothelial cells [J]. Regul Pept, 2011, 172(1-3): 16-22.
 [2] Tsoukas P, Kane E, Giaid A. Potential Clinical Implications of the Urotensin II Receptor Antagonists [J]. Front Pharmacol, 2011, 2: 38.
 [3] Bai XY, Liu XC, Yang Q, et al. The interaction between human urotensin II and vasodilator agents in human internal mammary artery with possible clinical implications [J]. Ann Thorac Surg, 2011, 92(2): 610-616.
 [4] Pawar R, Kemp W, Roberts S, et al. Urotensin II levels are an important marker for the severity of portal hypertension in children [J]. J Pediatr Gastroenterol Nutr, 2011, 53(1): 88-92.
 [5] Liao Y, Du JB, Tang CS, et al. Change and significance in the levels of plasma urotensin II and catestatin in children with postural orthostatic tachycardia syndrome [J]. Beijing Da Xue Xue Bao, 2011, 43(3): 436-439.
 [6] Cheung BM, Leung R, Man YB, et al. Plasma concentration of urotensin II is raised in hypertension [J]. J Hypertens, 2004, 22(7): 1341-1344.
 [7] 石莹, 王艳霞, 姚泰, 等. 尾加压素 II 对自发性高血压大鼠胸主动脉的收缩效应及其对血管平滑肌细胞内 ERK_{1/2} 磷酸化的影响 [J]. 复旦学报(医学版), 2008, 53(1): 48-52.
 [8] 张敬群, 马业新, 汪道文, 等. RNA 干扰技术选择性下调血管紧张素 II 1a 型受体及其作用的实验研究 [J]. 中华心血管病杂志, 2006, 34(1): 54-59.
 [9] Chen Y, Chen H, Hoffmann A, et al. Adenovirus-mediated small-interference RNA for in vivo silencing of angiotensin AT1a receptors in mouse brain [J]. Hypertension, 2006, 47(2): 230-237.

(收稿日期: 2011-06-12)